Genes of interest for phylogenetic tree

CFT073 dsdC

>ENA|AAN81349|AAN81349.1 Escherichia coli CFT073 D-serine deaminase activator

GTGATTATGGAACCCCTTCGTGAAATAAGAAATCGACTGCTTAACGGCTGGCAACTATCAAAACTGCATACTTTTGAAGTGGCTGCCAGGCATCAGTCCTTCGCTCTCGCGGCAGAGGAATTGTCGCTGAGCCCCAGTGCGGTAAGTCACCGTATCAATCAGCTGGAAGAAGAATTAGGTATTCAGTTGTTTGTTCGTTCCCATCGCAAAGTGGAATTAACGCACGAGGGGAAACGTGTTTATTGGGCGCTAAAATCGTCGCTGGATACCCTGAATCAGGAAATTCTGGATATCAAAAATCAGGAGTTATCGGGAACGTTAACGCTGTATTCCCGGCCCTCTATCGCCCAATGCTGGTTGGTGCCCGCATTAGGTGACTTTACACGCCGATATCCGTCTATTTCGCTCACCGTGCTCACTGGTAATGACAATGTCAATTTGCAACGTGCCGGAATCGATTTGGCGATCTACTTTGATGATGCGCCGTCAGCGCAATTGGCTCATCACTTTCTGATGGATGAAGAAATCTTGCCAGTTTGCAGCCCGGAGTACGCTCAAAGACATGATTTAACCAACACGGTAATTAACCTGCGTCACTGTACGTTGCTCCATGACAGACAGGCATGGAGCAACGACTCCGGTACGGATGAATGGCATAGTTGGGCGCAACATTATGCGGTTAATTTGCCAACATCTTCTGGAATTGGCTTTGATCGCTCTGATTTAGCCGTTATCGCCGCGATGAATCATATTGGGGTGGCGATGGGAAGGAAACGTATGGTACAAAAAAGGCTTGCCAGTGGTGAGCTCGTCGCGCCGTTTGGCGATATGACGGTGAAATGCCATCAGCATTATTACATCACCACATTACCGGGCAGGCAGTGGCCAAAAATTGAGGCATTTATTACTTGGTTAAGAGAACAGGTAAGTCAATATGAATGTTATACCTTATAACFT073 esiB

>AE014075.1:5064282-5065754 Escherichia coli CFT073, complete genome

ATGAAAAAATCTCTTCTGGCTGTAATGCTGACAGGACTGTTTGCTCTCGTTTCTCTTCCCGCTCTGGGAAATGTCAATCTCGAACAATTAAAGCAAAAAGCTGAAAGTGGAGAAGCTAAAGCACAGTTGGAGCTGGGATATCGCTATTTTCAGGGTAATGAAACGACAAAGGATCTCACCCAGGCGATGGACTGGTTTCGCCGTGCCGCAGAGCAGGGATACACCCCGGCAGAATATGTACTGGGGTTACGCTATATGAACGGTGAAGGTGTGCCGCAAGATTATGCTCAGGCAGTTATCTGGTACAAAAAAGCGGCACTGAAGGGGCTTCCGCAAGCGCAGCAGAATCTGGGTGTAATGTACCATGAAGGTAATGGCGTGAAGGTTGATAAAGCCGAATCTGTGAAATGGTTTCGCCTGGCAGCAGAGCAAGGTCGTGACAGCGGCCAGCAAAGTATGGGAGACGCATATTTTGAAGGCGATGGTGTGACGCGGGATTACGTTATGGCACGTGAGTGGTATAGCAAAGCAGCGGAACAAGGTAACGTCTGGTCCTGTAACCAGCTTGGTTATATGTATTCCAGAGGTTTAGGCGTTGAAAGAAACGATGCCATATCGGCACAATGGTATCGAAAATCAGCGACATCAGGCGACGAGTTGGGGCAGCTTCATTTAGCCGATATGTACTATTTCGGTATCGGTGTTACTCAGGATTACACTCAGTCACGGGTATTATTTTCCCAGTCGGCAGAGCAGGGAAATTCTATTGCGCAGTTTCGTCTGGGATATATATTGGAGCAAGGTTTAGCGGGAGCGAAAGAGCCGTTAAAAGCACTGGAGTGGTACCGTAAATCGGCAGAACAGGGAAATTCCGATGGTCAGTATTATTTGGCTCATCTGTATGATAAAGGCGCAGAAGGTGTAGCAAAAAATCGAGAACAAGCCATCTCCTGGTACACGAAATCGGCAGAACAGGGGGATGCTACCGCACAGGCTAATCTCGGCGCTATTTACTTCAGACTTGGTTCAGAAGAAGAACATAAAAAGGCGGTGGAATGGTTTCGCAAGGCCGCCGCAAAGGGTGAGAAAGCGGCGCAATTTAATTTGGGTAATGCTTTACTCCAGGGAAAAGGTGTTAAAAAAGATGAGCAACAGGCCGCAATCTGGATGCGAAAAGCCGCAGAGCAAGGATTAAGTGCAGCGCAGGTACAATTAGGTGAAATCTATTATTATGGCTTGGGCGTAGAACGTGATTATGTGCAGGCCTGGGCGTGGTTCGATACCGCATCGACCAATGATATGAATCTTTTTGGTACAGAAAACCGCAACATTACAGAGAAAAAACTGACAGCCAAACAACTGCAACAGGCTGAATTATTATCGCAACAATATATAGAAAAATATGCCCCGGAAGCCTGGGCGAGAATGCAAAAGCTTAAAGCGCAATCAGCGGTAAAGACGGGTAATAAATAACFT073 fdeC

>ENA|AAN78896|AAN78896.1 Escherichia coli CFT073 Putative adhesin

ATGTCACGTTATAAAACAGACAATAAACAGCCACGATTTCGTTATTCAGTTCTGGCCCGCTGCGTGGCGTGGGCAAATATCTCTGTTCAGGTTCTTTTTCCACTCGCAGTCACCTTTACGCCAGTAATGGCAGCACGTGCGCAGCATGCGGTTCAGCCACGGTTGAGCATGGAAAATACTACGGTAACTGCTGATAATAACGTGGAGAAAAATGTCGCGTCGCTTGCCGCTAATGCCGGGACATTTTTAAGCAGTCAGCCAGATAGCGATGCGACACGTAACTTTATTACCGGAATGGCCACCGCTAAAGCTAACCAGGAAATTCAGGAGTGGCTCGGGAAATACGGTACTGCGCGCGTCAAACTGAATGTCGATAAAAAATTCTCGCTGAAGGACTCTTCGCTGGAAATGCTTTATCCGATTTATGATACACCGACAAATATGTTGTTCACTCAGGGGGCAATACATCGTACCGACGATCGTACTCAGTCAAATATTGGTTTTGGCTGGCGTCATTTTTCAGAAAATGACTGGATGGCGGGGGTGAATACTTTTATCGATCATGATTTATCCCGTAGTCATACCCGCATTGGTGTTGGTGCGGAATACTGGCGTGATTATTTGAAACTGAGCGCCAATGGTTATATCCGGGCTTCTGGCTGGAAAAAATCGCCGGATGTTGAGGATTATCAGGAACGCCCGGCGAATGGCTGGGATATTCGTGCTGAGGGCTATTTACCTGCCTGGCCGCAGCTTGGCGCAAGCCTGATGTATGAACAGTATTATGGCGATGAAGTCGGGCTGTTTGGTAAAGATAAACGCCAGAAAGATCCACATGCGATTACCGCTGAAGTGAATTACACGCCAGTGCCTCTTCTGACCCTGAGTGCCGGGCATAAGCAGGGCAAGAGTGGTGAGAATGACACTCGCTTTGGCCTGGAAGTTAATTATCGGATTGGCGAACCTCTGGAAAAACAACTCGATACAGACAGCATTCGCGAGCGTCGAATGCTGGCAGGCAGCCGCTATGACCTGGTTGAGCGTAATAACAATATCGTTCTTGAGTATCGCAAATCTGAAGTGATCCGTATTGCTCTGCCTGAGCGTATTGAAGGCAAGGGCGGCCAGACGGTTTCCCTGGGGCTTGTGGTCAGCAAAGCAACTCACGGTCTGAAAAATGTGCAATGGGAAGCGCCGTCTTTGCTGGCCGCAGGCGGAAAAATTACGGGGCAGGGCAATCAGTGGCAAGTGACGCTCCCGGCTTATCAGGCAGGCAAAGACAATTATTATGCGATTTCAGCGATTGCCTACGATAACAAAGGCAATGCCTCGAAACGTGTGCAGACAGAAGTGGTTATTAGCGGAGCTGGTATGAGCGCCGATCGTACGGCGTTAACGCTTGACGGTCAGAGCCGTATTCAAATGCTTGCTAACGGTAATGAGCAAAAGCCGTTGGTGCTGTCTCTGCGCGACGCCGAGGGGCAGCCAGTCACGGGCATGAAAGATCAGATCAAGACTGAACTAACCTTCAAACCGGCTGGAAATATTGTGACTCGTACCCTGAAGGCCACTAAATCACAGGCAAAGCCAACACTGGGTGAGTTCACCGAAACTGAAGCAGGGGTGTATCAGTCTGTCTTTACTACCGGAACGCAGTCAGGTGAGGCAACGATTACTGTTAGCGTTGATGACATGAGCAAAACTGTCACTGCAGAACTGCGGGCCACGATGATGGATGTGGCAAACTCCACCCTGAGCGCTAACGAGCCGTCAGGTGATGTGGTTGCTGATGGTCAGCAAGCCTACACGCTGACACTGACAGCGGTGGACTCCGAGGGTAATCCGGTGACGGGAGAAGCCAGCCGCCTGCGACTTGTTCCGCAAGACACTAATGGTGTAACCGTTGGTGCCATTTCGGAAATAAAACCAGGGGTTTACAGCGCCACGGTTTCTTCGACCCGTGCCGGAAACGTTGTTGTGCGTGCCTTCAGCGAGCAGTATCAGCTGGGCACATTACAACAAACGCTGAAGTTTGTTGCCGGGCCGCTTGATGCAGCACATTCGTCCATCACACTGAATCCTGATAAACCGGTGGTTGGCGGTACAGTTACGGCAATCTGGACGGCAAAAGATGCTAATGACAACCCTGTAACTGGCCTCAATCCGGATGCACCGTCATTATCGGGCGCAGCTGCTGCTGGTTCTACGGCATCAGGCTGGACGGATAATGGCGACGGGACCTGGACTGCGCAGATTTCTCTCGGCACTACGGCGGGTGAATTAGACGTTATGCCGAAGCTCAATGGGCAGGACGCGGCAGCAAATGCGGCAAAAGTAACCGTGGTGGCTGATGCATTATCTTCAAACCAGTCGAAAGTCTCTGTCGCAGAAGATCACGTAAAAGCCGGTGAAAGCACAACCGTAACGCTGGTGGCGAAAGATGCGCATGGCAACGCTATCAGTGGTCTTTCGTTGTCGGCAAGTTTGACGGGGACCGCCTCTGAAGGGGCGACCGTTTCCAGTTGGACCGAAAAAGGTGACGGTTCCTATGTTGCTACGTTAACTACAGGCGGAAAGACGGGCGAGCTTCGTGTCATGCCGCTCTTCAACGGCCAGCCTGCAGCCACCGAAGCCGCGCAGCTGACTGTTATTGCCGGAGAGATGTCATCAGCGAACTCTACGCTTGTTGCGGACAATAAAACTCCAACGGTTAAAACGACGACGGAACTCACCTTCACCGTGAAGGATGCGTACGGGAATCCGGTCACCGGGCTGAAGCCAGATGCACCAGTGTTTAGTGGTGCCGCCAGCACGGGGAGTGAGCGTCCTTCAGCAGGAAACTGGACAGAGAAAGGTAATGGGGTCTACGTGTCGACCTTAACGCTGGGATCTGCCGCGGGTCAGTTGTCTGTGATGCCGCGAGTGAACGGCCAAAATGCCGTTGCTCAGCCACTGGTGCTGAATGTTGCAGGTGACGCATCTAAGGCTGAGATTCGTGATATGACAGTGAAGGTTAATAACCAACTGGCTAATGGACAGTCTGCTAACCAGATAACCCTGACCGTCGTGGACAGCTATGGTAACCCGTTGCAGGGGCAAGAAGTTACGCTGACTTTACCGCAGGGTGTGACCAGCAAGACGGGGAATACAGTAACAACCAATGCGGCAGGGAAAGTGGACATTGAGCTTATGTCAACGGTTGCAGGGGAACTTGAGATCGAGGCCTCGGTGAAAAACTCTCAGAAGACGGTCAAGGTGAAATTCAAGGCGGATTTCAGTACCGGTCAGGCGAGCCTGGAGGTAGACGCCGCTGCTCAAAAAGTGGCAAACGGCAAAGATGCCTTTACGCTGACGGCAACGGTTAAGGATCAATACGGCAACCTTCTTCCTGGCGCTGTGGTCGTCTTTAATCTGCCTCGGGGCGTCAAACCGCTTGCAGACGGTAATATCATGGTGAACGCCGACAAGGAGGGTAAAGCGGAACTGAAAGTGGTTTCCGTGACTGCCGGAACCTATGAGATCACGGCGTCAGCAGGAAATGACCAGCCTTCGAATGCGCAGTCTGTAACGTTTGTGGCTGATAAGACTACGGCGACCATCTCCAGTATTGAGGTGATTGGCAACCGTGCAGTGGCGGACGGCAAAACCAAACAGACGTATAAAGTTACGGTGACTGATGCCAATAACAACCTGCTGAAAGATAGCGAAGTGACGCTGACTGCCAGCCCGGAAAATTTAGTTCTGACTCCCAATGGGACGGCGACAACGAATGAGCAAGGGCAGGCTATTTTCACCGCCACGACCACTGTCGCAGCGACATATACACTCACGGCGAAAGTGGAACAGGCCGACGGTCAGGAATCGACGAAAACTGCCGAATCTAAATTCGTCGCGGATGATAAAAACGCGGTGCTCGCTGCATCTCCAGAGCGTGTAGATTCTCTGGTGGCGGACGGGAAGACTACTGCAACACTGACGGTTACTCTGATGTCGGGTGTCAACCCCGTAGGAGGAACCATGTGGGTCGACATTGAGGCTCCGGAAGGGGTGACAGAGGCGGATTATCAGTTCCTGCCGTCGAAAAATGACCATTTCGCGAGCGGGAAAATCACGCGTACATTTAGTACCAACAAGCCAGGTACATACACATTCACATTCAACTCTTTGACATATGGAGGGTATGAAATGAAACCAGTGACTGTGACAATTAACGCCGTTCCTGCAGATACTGAAGGCGCTGAGGAGAAATAACFT073 fimA

>ENA|AAN83815|AAN83815.1 Escherichia coli CFT073 Type-1 fimbrial protein, A chain precursor

GTGTACAGAACGACTGCCCATGTCGATTTAGAAATAGTTTTTTTAAAGGAAAGCAGCATGAAAATTAAAACTCTGGCAATCGTTGTTCTGTCGGCTCTGTCCCTCAGTTCCACAGCGGCTCTGGCCGCTGCCACGACGGTTAATGGTGGGACCGTTCACTTTAAAGGGGAAGTTGTTAACGCCGCTTGCGCAGTTGATGCAGGCTCTGTTGATCAAACCGTTCAGTTAGGACAGGTTCGTACCGCATCGCTGGACCAGGATGGAGCGACCAGCTCTGCTGTCGGTTTTAACATTCAACTGAATGATTGCGATACCGATGTTGCAAGTAAAGCTGCTGTTGCCTTCTTAGGTACAACAATTGACACGAATCATACCAACGTACTGGCTCTGCAAAGTTCTGCTGCGGGTAGCGCAACAAACGTTGGTGTGCAGATCCTGGATAAAACAGGGACTGCGTTGGCTTTGGATGGTGCGTCATTTAGTGCACAAACCACCCTGAATAACGGAACCAACACCATTCCGTTCCAGGCGCGTTATTATGCCATTGGTGCCGCAACCCCTGGCGCAGCTAATGCGGATGCGACCTTCAAGGTTCAGTATCAATAACFT073 fimH

>ENA|AAN83822|AAN83822.1 Escherichia coli CFT073 FimH protein precursor

ATGATTGTAATGAAACGAGTTATTACCCTGTTTGCTGTACTGCTGATGGGCTGGTCGGTAAATGCCTGGTCATTCGCCTGTAAAACCGCCAATGGTACCGCAATCCCTATTGGCGGTGGCAGCGCCAATGTTTATGTAAACCTTGCGCCTGCCGTGAATGTGGGGCAAAACCTGGTCGTAGATCTTTCGACGCAAATCTTTTGCCATAACGATTACCCAGAAACCATTACAGACTATGTCACACTGCAACGAGGTTCGGCTTATGGCGGCGTGTTATCTAGTTTTTCCGGGACCGTAAAATATAATGGCAGTAGCTATCCTTTCCCTACTACCAGCGAAACGCCGCGGGTTGTTTATAATTCGAGAACGGATAAGCCGTGGCCGGTGGCGCTTTATTTGACGCCGGTGAGCAGTGCGGGGGGAGTGGCGATTAAAGCTGGCTCATTAATTGCCGTGCTTATTTTGCGACAGACCAACAACTATAACAGCGATGATTTCCAGTTTGTGTGGAATATTTACGCCAATAATGATGTGGTGGTGCCCACTGGCGGCTGTGATGCTTCTGCTCGTGATGTCACCGTTACTCTGCCGGACTACCCTGGTTCAGTGCCGATTCCTCTTACCGTTTATTGTGCGAAAAGCCAAAACCTGGGGTATTACCTATCCGGCACAACCGCAGATGCGGGCAACTCGATTTTCACCAATACCGCGTCGTTTTCACCCGCGCAGGGCGTCGGCGTACAGTTGACGCGCAACGGTACGATTATTCCAGCGAATAACACGGTATCGTTAGGAGCAGTAGGGACTTCGGCGGTAAGTCTGGGATTAACGGCAAATTACGCACGTACCGGAGGGCAGGTGACTGCAGGGAATGTGCAATCGATTATTGGCGTGACTTTTGTTTATCAATAA

CFT073 fyuA

>ENA|AAN80895|AAN80895.1 Escherichia coli CFT073 Putative pesticin receptor precursor

ATGAAAATGACACGGCTTTATCCTCTGGCCTTGGGGGGATTATTGCTCCCCGCCATTGCTAATGCCCAGACTTCACAGCAAGACGAAAGCACGCTGGTGGTTACCGCCAGTAAACAATCTTCCCGCTCGGCATCAGCCAACAACGTCTCATCTACTGTTGTCAGCGCGCCGGAATTAAGCGACGCCGGCGTCACCGCCAGCGACAAACTCCCCAGAGTCTTGCCCGGGCTCAATATTGAAAATAGCGGCAACATGCTTTTTTCGACGATCTCGCTACGCGGCGTCTCTTCAGCGCAGGACTTCTATAACCCCGCCGTCACCCTGTATGTCGATGGCGTCCCTCAGCTTTCCACCAACACCATCCAGGCGCTTACCGATGTGCAAAGCGTGGAGTTGCTGCGAGGCCCACAGGGAACGTTATATGGCAAAAGCGCTCAGGGCGGGATCATCAACATCGTCACCCAGCAGCCGGACAGCACGCCGCGCGGCTATATTGAAGGCGGCGTCAGTAGCCGCGACAGTTATCGAAGTAAGTTCAACCTGAGCGGCCCCATTCAGGATGGCCTGCTGTACGGCAGCGTCACCCTGTTACGCCAGGTTGATGACGGCGACATGATTAACCCCGCGACGGGAAGCGATGACTTAGGCGGCACCCGCGCCAGCATAGGGAATGTGAAACTGCGTCTGGCGCCGGACGATCAGCCCTGGGAAATGGGCTTTGCCGCCTCACGCGAATGTACCCGCGCCACCCAGGATGCCTATGTGGGATGGAATGATATTAAGGGCCGTAAGCTGTCGATCAGCGATGGTTCACCAGACCCGTACATGCGGCGCTGCACTGACAGCCAGACCCTGAGTGGGAAATACACCACCGATGACTGGGTTTTCAACCTGATCAGCGCCTGGCAGCAGCAGCATTATTCGCGCACCTTCCCTTCCGGTTCGTTAATCGTCAATATGCCTCAGCGCTGGAATCAGGATGTGCAGGAGCTGCGCGCCGCAACCCTGGGCGATGCGCGTACCGTTGATATGGTGTTTGGGCTGTACCGGCAGAACACCCGCGAGAAGTTAAATTCAGCCTACGACATGCCGACAATGCCTTATTTAAGCAGTACCGGCTATACCACCGCTGAAACGCTGGCCGCATACAGTGACCTGACCTGGCATTTAACCGATCGTTTTGATATCGGCGGCGGCGTGCGCTTCTCGCATGATAAATCCAGTACACAATATCACGGCAGCATGCTCGGCAACCCGTTTGGCGACCAGGGTAAGAGCAATGACGATCAGGTGCTCGGGCAGCTATCCGCAGGCTATATGCTGACCGATGACTGGAGAGTGTATACCCGTGTAGCCCAGGGATATAAACCTTCCGGGTACAACATCGTGCCTACTGCGGGTCTTGATGCCAAACCGTTCGTCGCCGAGAAATCCATCAACTATGAACTTGGCACCCGCTACGAAACCGCTGACGTCACGCTGCAAGCCGCGACGTTTTATACCCACACCAAAGACATGCAGCTTTACTCTGGCCCGGTCGGGATGCAGACATTAAGCAATGCGGGTAAAGCCGACGCCACCGGCGTTGAGCTTGAAGCGAAGTGGCGGTTTGCGCCAGGCTGGTCATGGGATATCAATGGCAACGTGATCCGTTCCGAATTCACCAATGACAGTGAGTTGTATCACGGTAACCGGGTGCCGTTCGTACCACGTTATGGCGCGGGAAGCAGCGTGAACGGCGTGATTGATACGCGCTATGGCGCACTGATGCCCCGACTGGCGGTTAATCTGGTCGGGCCGCATTATTTCGATGGCGACAACCAGTTGCGGCAAGGCACCTATGCCACCCTGGACAGCAGCCTGGGCTGGCAGGCGACTGAACGGATGAACATTTCCGTCTATGTCGATAACCTGTTCGACCGTCGTTACCGTACCTATGGCTACATGAACGGCAGCAGCGCCGTCGCGCAGGTCAATATGGGTCGCACCGTCGGTATCAATACGCGAATTGATTTCTTCTGACFT073 hlyA

>ENA|AAN82018|AAN82018.1 Escherichia coli CFT073 Hemolysin AATGCCAACAATAACCACTGCACAAATTAAAAGCACACTACAGTCTGCAAAGCAATCCTCTGCAAATAAATTGCACTCAGCAGGACAAAGCACGAAAGATGCATTAAAAAAAGCAGCAGAGCAAACCCGCAATGCGGGAAACAGACTCATTTTACTTATCCCTAAAGATTATAAAGGACAGGGTTCAAGCCTTAATGACCTTGTCAGGACGGCAGATGAACTGGGAATTGAAGTCCAGTATGATGAAAAGAATGGCACGGCGATTACTAAACAGGTATTCGGCACAGCAGAGAAACTCATTGGCCTCACCGAACGGGGAGTGACTATCTTTGCACCACAATTAGACAAATTACTGCAAAAGTATCAAAAAGCGGGTAATAAATTAGGCGGCAGTGCTGAAAATATAGGTGATAACTTAGGAAAGGCAGGCAGTGTACTGTCAACGTTTCAAAATTTTCTGGGTACTGCACTTTCCTCAATGAAAATAGACGAACTGATAAAGAGACAAAAATCTGGTAGCAATGTCAGTTCTTCTGAACTGGCAAAAGCGAGTATTGAGCTAATCAACCAACTCGTGGACACAGCTGCCAGCATTAATAATAATGTTAACTCATTTTCTCAACAACTCAATAAGCTGGGAAGTGTATTATCCAATACAAAGCACCTGACCGGTGTTGGTAATAAGTTACAGAATTTACCTAACCTTGATAATATCGGTGCAGGGTTAGATACTGTATCGGGTATTTTATCTGCGATTTCAGCAAGCTTCATTCTGAGCAATGCAGATGCAGATACCGGAACTAAAGCTGCAGCAGGTGTTGAATTAACAACGAAAGTACTGGGTAATGTTGGAAAAGGTATTTCTCAATATATTATCGCACAGCGCGCTGCACAGGGATTATCTACATCTGCTGCTGCTGCCGGTTTAATTGCTTCTGTAGTGACATTAGCAATTAGTCCCCTCTCATTCCTGTCCATTGCCGATAAGTTTAAACGTGCCAATAAAATAGAGGAGTATTCACAACGATTCAAAAAACTTGGATACGATGGTGACAGTTTACTTGCTGCTTTTCACAAAGAAACAGGAGCTATTGATGCATCGTTAACAACGATAAGCACTGTTCTGGCTTCAGTATCTTCAGGTATTAGTGCTGCTGCAACGACATCTCTGGTTGGTGCACCGGTAAGCGCGCTGGTAGGGGCTGTTACGGGGATAATTTCAGGCATCCTTGAGGCTTCAAAACAGGCAATGTTTGAACATGTCGCCAGTAAAATGGCCGATGTTATTGCTGAATGGGAGAAAAAACACGGCAAAAATTACTTTGAAAATGGATATGATGCCCGCCATGCTGCATTTTTAGAAGATAACTTTAAAATATTATCTCAGTATAATAAAGAGTATTCTGTTGAAAGATCAGTCCTCATTACCCAGCAACATTGGGATACGCTGATAGGTGAGTTAGCGGGTGTCACCAGAAATGGAGACAAAACACTCAGTGGTAAAAGTTATATTGACTATTATGAAGAAGGAAAACGTCTGGAGAAAAAACCGGATGAATTCCAGAAGCAAGTCTTTGACCCATTGAAAGGAAATATTGACCTTTCTGACAGCAAATCTTCTACGTTATTGAAATTTGTTACGCCATTGTTAACTCCCGGTGAGGAAATTCGTGAAAGGAGGCAGTCCGGAAAATATGAATATATTACCGAGTTATTAGTCAAGGGTGTTGATAAATGGACGGTGAAGGGGGTTCAGGACAAGGGGTCTGTATATGATTACTCTAACCTGATTCAGCATGCATCAGTCGGTAATAACCAGTATCGGGAAATTCGTATTGAGTCACACCTGGGAGACGGGGATGATAAGGTCTTTTTATCTGCCGGCTCAGCCAATATCTACGCAGGTAAAGGACATGATGTTGTTTATTATGATAAAACAGACACCGGTTATCTGACCATTGATGGCACAAAAGCAACCGAAGCGGGTAATTACACGGTAACACGTGTACTTGGTGGTGATGTTAAGATTTTACAGGAAGTTGTGAAGGAGCAGGAGGTTTCAGTTGGAAAAAGAACTGAAAAAACGCAATATCGGAGTTATGAATTCACTCATATCAATGGTAAAAATTTAACAGAGACTGATAACTTATATTCCGTGGAAGAACTTATTGGGACCACGCGTGCCGACAAGTTTTTTGGCAGTAAATTTACTGATATCTTCCATGGCGCGGATGGTGATGACCATATAGAAGGAAATGATGGGAATGACCGCTTATATGGTGATAAAGGTAATGATACGCTGAGGGGCGGAAACGGGGATGACCAGCTCTATGGCGGTGATGGCAATGATAAGTTAATTGGGGGGACAGGTAATAATTACCTTAACGGCGGTGACGGAGATGATGAGCTTCAGGTTCAGGGGAATTCTCTTGCTAAAAATGTATTATCCGGTGGAAAAGGTAATGACAAGTTGTACGGCAGTGAGGGAGCAGATCTGCTTGATGGCGGAGAAGGGAATGATCTTCTGAAAGGTGGATATGGTAATGATATTTATCGTTATCTTTCAGGATATGGCCATCATATTATTGACGATGATGGGGGGAAAGACGATAAACTCAGTTTGGCTGATATTGATTTCCGGGATGTGGCCTTCAGGCGAGAAGGTAATGACCTCATCATGTATAAAGCTGAAGGTAATGTTCTTTCCATTGGTCATAAAAATGGTATTACATTCAGGAACTGGTTTGAAAAAGAGTCAGGTGATATCTCTAATCACCAGATAGAGCAGATTTTTGATAAAGACGGCAGGGTAATCACACCAGATTCCCTTAAAAAGGCACTTGAGTATCAACAGAGTAATAATAAGGCAAGTTATGTGTATGGGAATGATGCATTAGCCTATGGAAGTCAGGATAATCTTAATCCATTAATTAATGAAATCAGCAAAATCATTTCAGCTGCAGGTAATTTTGATGTTAAAGAGGAAAGAGCTGCAGCTTCTTTATTGCAGTTGTCCGGTAATGCCAGTGATTTTTCATATGGACGGAACTCAATAACTTTGACAGCATCAGCATAACFT073 ireA

>ENA|AAN83596|AAN83596.1 Escherichia coli CFT073 Putative iron-regulated outer membrane virulence protein

ATGAAGAACAAATATATCATTGCTCCGGGCATTGCCGTGATGTGTTCTGCAGTTATATCATCAGGTTATGCCAGTTCTGATAAAAAAGAAGATACGCTTGTTGTTACTGCCTCCGGGTTCACTCAGCAGCTCAGAAATGCCCCGGCCAGTGTCTCAGTCATTACTTCAGAACAACTGCAAAAAAAACCGGTTTCAGATCTGGTCGATGCAGTAAAAGATGTTGAAGGGATTAGTATCACTGGTGGGAATGAAAAACCGGATATCAGTATACGTGGTCTAAGTGGCGATTACACGCTGATTCTGGTCGATGGACGACGTCAGAGCGGTCGGGAATCCAGACCAAACGGCAGCGGCGGTTTTGAAGCCGGATTTATCCCTCCTGTGGAAGCAATTGAACGCATTGAAGTGATCCGTGGCCCTATGTCTTCCCTGTATGGTTCTGATGCCATCGGAGGGGTCATTAATATCATAACCAAACCAGTTAATAACCAAACATGGGATGGCGTACTTGGACTTGGGGGGATTATTCAGGAACATGGGAAATTTGGTAACTCAACCACAAATGACTTCTATCTGTCAGGCCCATTGATTAAGGATAAACTTGGTCTTCAGCTATATGGAGGAATGAACTATCGCAAGGAAGATAGTATCTCTCAGGGAACACCGGCAAAAGATAATAAGAATATAACGGCAACGCTCCAGTTTACTCCGACTGAAAGCCAGAAGTTTGTTTTTGAATATGGAAAAAATAACCAGGTGCATACATTAACACCTGGTGAGTCTCTCGATGCCTGGACTATGCGGGGAAATCTTAAACAACCAAACAGTAAAAGAGAAACGCATAATTCACGTAGTCACTGGGTAGCAGCATGGAATGCCCAGGGCGAAATACTGCATCCTGAAATTGCTGTTTATCAGGAGAAAGTTATTCGTGAGGTTAAATCAGGTAAAAAAGATAAATATAATCATTGGGATCTTAATTACGAGTCAAGAAAACCGGAAATAACCAACACAATCATAGATGCAAAAGTGACGGCATTTCTGCCGGAAAATGTACTGACCATCGGAGGTCAATTTCAGCATGCAGAGCTCCGTGATGACTCAGCCACGGGTAAAAAAACGACAGAAACACAGTCTGTTTCAATTAAACAGAAAGCTGTTTTTATAGAAAATGAATATGCAGCAACGGATTCTCTCGCCCTGACTGGAGGACTGCGTCTCGATAATCATGAAATCTATGGCAGTTACTGGAATCCAAGATTGTACGCTGTTTATAACCTGACCGATAATCTCACACTCAAAGGGGGGATCGCAAAAGCATTTCGGGCTCCTTCAATTCGTGAGGTGAGTCCTGGATTTGGAACACTGACGCAGGGTGGTGCCTCTATTATGTATGGAAACAGGGACCTGAAACCGGAGACCAGTGTAACCGAAGAGATCGGTATTATTTATAGTAATGATAGTGGTTTTTCGGCGAGCGCGACGCTGTTTAATACTGATTTTAAAAATAAGTTGACCAGTTACGATATAGGTACAAAAGATCCAGTCACCGGGTTAAACACTTTTATTTATGATAATGTAGGTGAGGCAAATATCAGAGGGGTGGAGCTTGCAACTCAGATTCCTGTGTATGATAAATGGCATGTATCTGCAAACTATACATTTACTGACTCTCGTCGAAAAAGTGATGACGAAAGTCTCAATGGCAAGTCGCTGAAAGGGGAACCTCTGGAAAGAACTCCCAGACATGCAGCCAATGCAAAACTGGAATGGGATTACACTCAGGATATTACATTTTATTCATCTCTGAATTATACGGGAAAACAAATCTGGGCAGCACAAAGAAATGGTGCTAAGGTTCCCCGCGTTCGTAATGGATTCACATCTATGGATATTGGTCTAAATTACCAGATTCTGCCAGACACGCTGATTAATTTTGCCGTTCTTAACGTCACAGACAGAAAGAGCGAGGATATCGATACCATTGATGGTAACTGGCAGGTCGATGAAGGACGCCGTTATTGGGCTAATGTAAGAGTATCCTTCTGA

CFT073 iutA

>ENA|AAN82071|AAN82071.1 Escherichia coli CFT073 IutA protein

GTGGCGCAGCGGCAGCCGGAAAAAACCGCAGCCGGAGGCTGCTGCTTTAACTCACTATACAACAAATATTCAGGAATAACGATGATGCGCAAAAAGTATATGCCCCGGGCTCTTGGTCCGCTGCTTCTTGTCGTGCTGTCACCAGCTGTCGCCCAGCAAAACGATGATAATGAGATCATAGTGTCTGCCAGCCGCAGCAATCGAACTGTAGCGGAGATGGCGCAAACCACCTGGGTTATCGAAAATGCCGAACTGGAGCAGCAGATTCAGGGCGGTAAAGAGCTGAAAGACGCACTGGCTCAGTTAATCCCCGGCCTTGATGTCAGCAGCCAGAGCCGAACCAACTACGGTATGAACATGCGTGGCCGCCCGCTGGTTGTCCTGATTGACGGTGTGCGCCTCAACTCTTCACGTTCCGACAGCCGACAACTGGACTCTGTCGATCCTTTTAATATCGACCATATTGAAGTGATCTCCGGCGCGACGGCCCTGTACGGTGGCGGGAGTACCGGAGGGTTGATCAACATCGTGACCAAAAAAGGCCAGCCGGAAACCATGATGGAGTTTGAGGCTGGCACAAAAAGTGGCTTTAACAGCAGTAAAGATCACGATGAGCGCATTGCCGGTGCTGTCTCCGGCGGAAATGACCATATCTCCGGACGTCTTTCCGTGGCATATCAGAAATTTGGCGGCTGGTTTGACGGTAACGGCGATGCCACCCTGCTTGATAACACCCAGACCGGCCTGCAGCACTCCAATCGGCTGGACATCATGGGAACCGGTACGCTGAACATCGATGAATCCCGGCAGCTTCAACTGATAACGCAGTACTATAAAAGTCAGGGGGACGACAATTACGGGCTTAATCTCGGGAAAGGCTTTTCCGCCATCAGCGGGAGCAGCACACCATACGTCAGTAAGGGGCTGAATTCTGACCGCATTCCCGGCACTGAGCGGCATTTGATCAGCCTGCAGTACTCTGACAGTGATTTCCTGAGACAGGAACTGGTCGGTCAGGTTTACTACCGCGATGAGTCGTTGCGGTTCTACCCGTTCCCGACGGTAAATGCGAATAAACAGGCGACGGCTTTCTCCTCGTCACAGCAGGATACCGACCAGTACGGCATGAAACTGACTCTGAACAGCCAACTTATGGACGGCTGGCAAATCACCTGGGGGCTGGATGCTGAGCATGAGCGCTTTACCTCCAACCAGATGTTCTTCGATCTGGCTCAGGCAAGTGCTTCCGGAGGGCTGAACAACCATAAGATTTACACCACCGGGCGCTATCCGTCATATGACATCACCAATCTGGCGGCCTTCCTGCAATCCAGCTATGACATTAATGATATTTTTACCGTTAGCGGTGGCGTACGCTATCAGTATACTGAGAACAGGGTAGATGATTTCATCGACTACACGCAGCAACAGAAGATTGCTGCCGGGAAGGCGATATCTGCCGACGCCATTCCTGGTGGTTCGGTAGATTACGATAACTTTCTGTTCAATGCTGGTCTGCTGATGCACATCACCGAACGTCAGCAGGCATGGTTCAATTTTTCCCAGGGGGTGGCATTGCCGGATCCGGGGAAATATTATGGTCGCGGCATCTATGGTGCAGCAGTGAACGGCCATCTTCCCCTGACAAAGAGCGTGAACGTCAGCGACAGTAAGCTGGAAGGCGTGAAAGTCGATTCTTATGAACTGGGCTGGCGCTTTACCGGTGACAACCTGCGGACTCAAATCGCGGCATATTACTCGCTTTCCAATAAGAGCGTGGAAAGGAATAAAGATCTGACCATCAGTGTGAAGGACGACAGGCGCCGTATTTACGGCGTGGAAGGTGCGGTGGACTACCTGATCCCGGATACTGACTGGAGTACCGGTGTGAACTTCAATGTGCTGAAAACCGAGTCGAAAGTGAACGGTCAATGGCAAAAATATGACGTGAAGGAATCAAGTCCATCGAAAGCGACAGCTTACATTAACTGGGCGCCGGAACCGTGGAGTCTGCGTGTACAGAGCACCACTTCTTTCGACGTAAGCGATGCAGAGGGTAACGATATTAATGGTTACACTACCGTCGATTTTATCAGTAGTTGGCAGCTTCCGGTGGGAACACTCAGCTTCAGCGTTGAGAACCTCTTCGACCGTGACTATACCACTGTCTGGGGACAGCGTGCACCTCTGTACTACAGCCCGGGTTACGGCCCTGCTTCACTGTACGACTACAAAGGCCGGGGCCGAACCTTTGGTCTGAACTACTCAGTGCTGTTCTGA

CFT073 papA

>ENA|AAN82040|AAN82040.1 Escherichia coli CFT073 PapA protein

GTGTGTTCAGTAATGAAAAAGAGGTTGTTATTTATGATTAAGTCGGTTATTGCCGGTGCGGTAGCTATGGCAGTGGTGTCTTTTGGTGCATATGCTGCTCCAACTATTCCTCAGGGGCAGGGTAAAGTAACTTTTAACGGAACTGTAGTAGATGCACCATGTGGTATTGATGCTCAGTCTGCTGATCAATCTATTGATTTTGGACAAGTATCAAAATTATTTCTGGAGAATGATGGGGAAAGTCAACCCAAATCTTTTGATATTAAACTTATAAATTGTGATATTACAAACTTTAAAAAAGCTGCTGGCGGTGGTGGGGCGAAGACTGGCACAGTATCTCTGACTTTTTCGGGTGTCCCAAGTGGTCCGCAGAGTGACATGTTACAGACCGTCGGTGCAACAAATACAGCTATTGTTGTCACCGATCCACATGGAAAACGCGTAAAATTTGATGGTGCGACAGCAACAGGTGTTTCCTATTTAGTTGATGGTGATAACACAATTCATTTTACTGCTGCCGTCAGAAAAGATGGTAGTGGCAACCCTGTAACAGAAGGTGCTTTCTCAGCAGTTGCGAATTTCAACCTGACTTATCAGTAA

CFT073 papA\_2

>ENA|AAN83610|AAN83610.1 Escherichia coli CFT073 PapA protein

GTGTGTTCAGTAATGAAAAAGAGGTTGTTATTTATGATTAAGTCGGTTATTGCCGGTGCGGTAGCTATGGCAGTGGTGTCTTTTGGTGCAAATGCAGCTGCATCTATCCCTCAAGGACAAGGTGAAGTAAGTTTTAAAGGGACTGTTGTTGACGCTCCGTGTGGTATTGAAACTCAGTCTGCAAAACAGGAAATTGATTTTGGTCAGATCTCTAAATCCTTCCTGCAAGAGGGGGGAGAGACTCAACCGAAAGATTTGAATATTAAGCTTGTGAATTGTGACATTACTAATTTCAAACAGCTTCAAGGCGGGGCAGCTAAAAAAGGTACAGTGTCATTGACATTTTCAGGTGTGCCTGCAGAAAATGCAGATGACATGCTGCAAACAGTTGGAGATACTAATACTGCGATTGTTGTTACTGATTCGAGTGGAAAACGGGTGAAATTTGATGGAGCCACTGAGACCGGGGCTTCAAATCTGATTAATGGCGATAATACAATTCATTTTACTGCATTTGTTAAGAAGATAATAGTGGCAAGAATGTAGCTGAAGGTGCCTTCTCAGCAGTTGCGAATTTCAACCTGACTTATCAGTAA

CFT073 crl

>ENA|AAN78868|AAN78868.1 Escherichia coli CFT073 Curlin genes transcriptional activatory protein

ATGACGTTACCGAGTGGACACCCGAAGAGCAGATTGATCAAAAAATTTACCGCACTAGGCCCGTATATTCGTGAAGGTAAGTGCGAAGATAATCGATTCTTTTTCGATTGTCTGGCTGTATGCGTCAACGTGAAACCGGCACCGGAAGTGCGTGAGTTCTGGGGCTGGTGGATGGAACTGGAAGCGCAGGAATCCCGTTTTACCTACAGTTACCAGTTTGGTCTGTTCGATAAAGCAGGCGACTGGACGAGTGTTCGGATAAAAGATGCCGAAGTGGTTGAACGATTGGAGCACACCCTGCGTGAATTTCACGAGAAGCTGCGTGAGCTGCTGGCGACGCTGAATCTGAAGCTGGAACCGGCAGATGATTTTCGTGATGAACCGGTGAAGTTAACGGCGTGA

CFT073 aer

>ENA|AAN82270|AAN82270.1 Escherichia coli CFT073 Aerotaxis receptor

ATGTCTTCTCATCCGTATGTCACCCAGCAAAATACCCCGCTGGCGGACGACACCACTCTGATGTCCACTACCGATCTGCAAAGCTATATCACTCATGCTAATGACACTTTTGTGCAGGTGAGCGGCTATACCTTGCAGGAGTTACAGGGGCAACCGCACAACATGGTGCGTCACCCGGATATGCCAAAAGCGGCGTTTGCGGATATGTGGTTCACCCTGAAAAAAGGGGAGCCCTGGAGCGGCATCGTGAAAAATCGCCGCAAAAATGGCGACCATTATTGGGTGCGGGCCAATGCGGTACCGATGGTGCGCGAGGGAAAAATCAGTGGCTATATGTCGATTCGTACCCGGGCGACGGATGAAGAGATCGCGGCGGTGGAGCCGCTGTACAAAGCGTTGAACGCCGGACGGACCAGTAAGCGTATTCATAAAGGCCTGGTGGTGCGTAAAGGTTGGTTGGGAAAACTGCCTTCATTACCGCTTCGCTGGCGGGCGCGTGGAGTGATGACCCTGATGTTTATCTTGCTGGCGGCCATGCTCTGGTTTGTTGCTGCCCCGGTGGTGACGTATATCCTCTGTGCATTAGTGGTATTGTTGGCAAGCGCTTGTTTTGAATGGCAGATTGTCCGCCCGATAGAAAATGTCGCCCGTCAGGCACTGAAGGTGGCGACCGGAGAGCGTAATAGTGTTGAGCATCTGAAGCGCAGCGATGAGCTGGGGCTGACATTACGTGCGGTAGGGCAGCTTGGCCTGATGTGCCGTTGGCTAATTAATGATGTCTCAAGCCAGGTGTCCAGTGTCAGAAACGGCAGTGAGACGCTGGCGAAAGGCACCGATGAACTGAACGAACATACCCAGCAGACAGTTGATAACGTTCAGCAAACGGTGGCGACCATGAACCAAATGGCGGCGTCGGTGAAACAGAACTCTGCCACGGCGTCGGCTGCCGATAAACTTTCTATCACCGCCAGTAATGCGGCAGTGCAGGGCGGGGAGGCGATGACTACGGTGATCAAGACAATGGACGATATTGCCGACAGTACCCAGCGCATTGGCACCATTACTTCGCTGATTAACGATATTGCGTTTCAGACCAATATTCTGGCCCTGAATGCGGCGGTGGAAGCGGCGCGTGCCGGCGAACAGGGCAAAGGTTTTGCAGTGGTGGCGGGGGAAGTGCGTCATTTAGCCAGCCGCAGCGCCAATGCTGCCAACGATATTCGCAAGCTGATTGATGCCAGTGCTGATAAGGTGCAATCTGGTTCGCAGCAGGTACACGCCGCCGGACGGACGATGGAAGATATTGTGGCGCAGGTAAAAAACGTCACCCAGTTGATAGCTCAGATTAGCCATTCAACGCTGGAACAGGCCGATGGGCTTTCCAGCCTGACCCGTGCAGTGGATGAGCTTAACCTGATCACCCAGAAAAACGCCGAGTTGGTGGAAGAGAGTGCGCAGGTGTCGGCGATGGTGAAACACCGCGCCAGCGGACTGGAAGACGCGGTGACGGTGCTGCATTAACFT073 iroN

>ENA|AAN79707|AAN79707.1 Escherichia coli CFT073 Siderophore receptor IroN

ATGAGAATTAACAAAATCCTCTGGTCGCTAACTGTGCTCCTAGTTGGGTTGAATAGCCAGGTATCAGTAGCCAAATACTCCGACGATGATAATGACGAGACTCTGGTGGTGGAAGCCACCGCTGAGCAGGTATTAAAACAGCAGCCGGGCGTGTCGGTTATTACCAGCGAGGATATTAAAAAGACCCCTCCGGTAAACGACCTTTCAGATATTATTCGTAAAATGCCTGGTGTTAATCTTACCGGCAATAGCGCCTCGGGCACACGCGGTAATAACCGCCAGATCGATATTCGTGGTATGGGGCCGGAAAACACCTTAATTTTAATTGATGGTGTACCGGTGACGTCACGTAACTCCGTGCGTTATAGCTGGCGTGGGGAGCGTGATACCCGCGGTGACACCAACTGGGTGCCACCGGAACAGGTTGAGCGTATTGAAGTGATCCGCGGCCCTGCGGCGGCGCGCTACGGTTCGGGGGCCGCCGGGGGGGTGGTGAACATCATTACCAAACGTCCCACCAACGACTGGCACGGTTCGCTGTCGTTATACACCAACCAGCCGGAAAGTAGCGAAGAGGGCGCTACGCGTCGCGCCAATTTCAGCCTTAGTGGGCCTCTGGCTGGTGATGCTCTTACCACGCGTTTGTATGGTAACCTGAATAAAACGGATGCTGACAGTTGGGATATTAATTCTCCGGTCGGTACGAAAAACGCAGCCGGGCATGAAGGGGTACGTAACAAAGATATTAACGGCGTTGTCTCGTGGAAATTAAATCCGCAGCAGATTCTCGATTTCGAAGTCGGATATAGCCGCCAGGGGAATATCTATGCGGGCGATACGCAGAACAGTTCTTCCAGTGCAGTTACCGAAAGCCTGGCAAAATCCGGCAAAGAGACGAACCGCCTGTACCGACAGAATTATGGCATTACGCATAATGGTATCTGGGACTGGGGACAAAGTCGCTTTGGTGTTTATTACGAGAAAACCAATAATACCCGCATGAATGAAGGATTATCCGGCGGTGGTGAAGGACGTATTTTAGCGGGTGAAAAGTTTACGACCAATCGCCTGAGTTCCTGGCGAACCAGCGGTGAGCTTAATATTCCTTTGAATGTGATGGTTGATCAAACGCTGACCGTTGGTGCAGAGTGGAACCGCGATAAGCTCGATGATCCTTCCTCTACCAGCCTGACGGTGAATGACAGAGATATCAGCGGTATTTCTGGCTCTGCTGCGGATCGCAGCAGTAAAAATCATTCTCAAATCAGTGCGCTGTATATTGAAGATAACATTGAGCCGGTTCCTGGCACGAATATCATTCCCGGCCTGCGCTTTGATTATCTCAGCGACTCCGGCGGGAACTTCAGCCCCAGTCTGAATCTTTCGCAGGAATTGGGCGATTATTTCAAAGTCAAAGCAGGGGTTGCCCGAACCTTTAAAGCCCCAAACCTGTATCAATCCAGTGAAGGCTATCTGCTCTACTCGAAAGGCAATGGCTGTCCAAAAGATATTACATCAGGCGGGTGCTACCTGATCGGTAATAAAGATCTCGATCCGGAAATCAGCGTCAATAAAGAAATTGGACTGGAGTTCACCTGGGAAGATTACCACGCAAGTGTGACCTACTTCCGCAATGATTACCAGAATAAGATCGTGGCCGGGGATAACGTTATCGGGCAAACCGCTTCAGGCGCATATATCCTCAAGTGGCAGAATGGCGGGAAAGCTCTGGTGGACGGTATCGAAGCCAGTATGTCTTTCCCACTGGTGAAAGAGCGTCTGAACTGGAATACCAATGCCACATGGATGATCACTTCGGAGCAAAAAGACACCGGTAATCCTCTGTCGGTCATCCCGAAATATACTATCAATAACTCGCTTAACTGGACCATCACCCAGGCGTTTTCTGCCAGCTTCAACTGGACGTTATATGGCAGACAAAAACCGCGTACTCATGCGGAAACCCGCAGTGAAGATACTGGCGGTCTGTCAGGTAAAGAGCTGGGCGCTTATTCACTGGTGGGGACGAACTTCAATTACGATATTAATAAAAATCTGCGTCTTAATGTCGGCGTCAGTAATATCCTCAATAAACAGATCTTCCGATCTTCTGAAGGGGCGAATACCTATAACGAGCCAGGCCGGGCTTATTATGCCGGAGTTACCGCATCATTCTGA

CFT073 chuA

>ENA|AAN82744|AAN82744.1 Escherichia coli CFT073 Outer membrane heme/hemoglobin receptor

TTGTTGGCTTTGGCTGTTTCTGCCACCTTGCCAACGTTTGCTTTTGCTACTGAAACCATGACCGTTACGGCAACGGGGAATGCACGTAGTTCCTTCGAAGCGCCTATGATGGTCAGCGTTATCGACACTTCCGCTCCTGAAAATCAAACTGCTACTTCAGCCACTGATTTGCTGCGTCATGTTCCTGGAATTACTCTTGATGGTACCGGACGAACCAACGGTCAGGATGTAAATATGCGTGGCTATGATCATCGCGGCGTGCTGGTTCTTGTCGATGGTGTTCGCCAGGGAACGGATACCGGACACCTGAATGGCACTTTTCTCGATCCGGCGCTGATCAAGCGTGTTGAGATTGTTCGCGGACCTTCAGCATTACTGTATGGCAGTGGCGCGCTGGGTGGAGTGATCTCCTACGATACGGTCGATGCAAAAGATTTATTGCAGGAAGGACAAAGCAGTGGTTTTCGTGTCTTTGGTACTGGCGGCACGGGGGACCATAGCCTGGGATTAGGCGCGAGCGCGTTTGGGCGAACTGAAAATCTGGATGGTATTGTGGCCTGGTCCAGTCGCGATCGGGGTGATTTACGCCAGAGCAATGGTGAAACCGCGCCGAATGACGAGTCCATTAATAACATGCTGGCGAAAGGGACCTGGCAAATTGATTCAGCCCAGTCTCTGAGCGGTTTAGTGCGTTACTACAACAACGACGCGCGTGAACCAAAAAATCCGCAGACCGTTGAAGCTTCTGATAGCAGCAACCCGATGGTCGATCGTTCAACAATTCAACGCGATGCGCAGCTTTCTTATAAACTCGCCCCGCAGGGTAACGACTGGTTAAATGCAGATGCAAAAATTTACTGGTCGGAAGTCCGTATTAATGCGCAAAACACGGGGAGTTCAGGCGAGTATCGTGAACAGATAACAAAAGGAGCAAGGCTGGAGAACCGTTCCACTCTATTTGCCGACAGTTTCGCTTCTCACTTACTGACATATGGCGGTGAGTATTATCGTCAGGAACAACATCCGGGTGGCGCGACGACGGGCTTCCCGCAAGCAAAAATCGATTTTAGCTCTGGTTGGCTACAAGATGAGATCACCTTACGCGATCTGCCGATTACCCTGCTTGGCGGAACCCGCTATGACAGTTATCGCGGTAGCAGCGACGGCTACAAAGATGTTGATGCCGACAAATGGTCATCTCGTGCGGGGATGACTATCAACCCGACCAACTGGCTGATGTTATTTGGCTCATATGCTCAGGCATTCCGCGCCCCGACGATGGGCGAAATGTATAACGATTCTAAACACTTCTCGATTGGTCGCTTCTATACCAACTATTGGGTGCCAAACCCGAACTTACGTCCGGAAACTAACGAAACTCAGGAGTACGGTTTTGGGCTGCGTTTTGATGACCTGATGTTGTCCAATGATGCTCTGGAATTTAAAGCCAGCTACTTTGATACCAAAGCGAAAGATTATATCTCCACGACCGTCGATTTCGCGGCGGCGACAACTATGTCGTATAACGTCCCGAACGCCAAAATCTGGGGCTGGGATGTGATGACGAAATATACCACTGATCTGTTTAGCCTTGATGTGGCCTATAACCGTACCCGCGGCAAAGACACCGATACCGGGGAATATATCTCCAGCATTAACCCGGATACCGTTACCAGTACCCTGAATATTCCGATCGCTCACAGCGGCTTCTCTGTTGGTTGGGTCGGTACGTTTGCCGATCGCTCAACACATATCAGCAGCAGCTACAGCAAACAACCTGGCTATGGTGTGAATGATTTCTACGTCAGTTATCAAGGGCAGCAGGCGCTCAAAGGCATGACCACTACTCTGGTATTGGGCAACGCCTTCGATAAAGAGTACTGGTCGCCGCAAGGCATCCCACAGGATGGTCGTAACGGAAAAATTTTCGTGAGTTATCAATGGTAA

CFT073 sitA

>ENA|AAN80068|AAN80068.1 Escherichia coli CFT073 SitA protein

ATGCACTCGATAAAAAAAGTAACCATGCTCTTGGGGGGCCTCGCACTCACCTGCTCGATCGCATTTCAGGCAAGTGCAACTGAAAAATTCAAGGTCATTACAACATTTACCATCATCGCGGATATGGCCAAAAACGTGGCGGGAGATGCTGCAGAAGTCTCATCCATAACCAAGCCTGGTGCAGAAATTCATGAGTATCAGCCTACCCCTGGCGATATTAAACGTGCGCAGGGGGCACAACTGATTCTCGCCAATGGTATGAATCTGGAATTGTGGTTCCAACGCTTTTACCAGCATCTCAATGGGGTTCCAGAAGTAATTGTCTCTTCGGGTGTGACGCCTGTAGGGATCACCGAAGGACCCTATGAGGGCAAACCTAACCCCCATGCATGGATGTCGCCAGATAATGCTCTGATTTACGTCGATAATATTCGTGATGCGTTGATAAAATACGATCCGGCAAATGCACAAACCTACCAACGCAATGCCGATACTTATAAAGCCAAGATTACCCAAACCCTTGCCCCCCTGCGTAAGCAGATTACGGAACTCCCTGAGAATCAGCGATGGATGGTCACCAGTGAAGGGGCTTTTTCTTATCTCGCACGCGATTTGGGGCTAAAAGAGCTTTATCTGTGGCCGATTAATGCCGATCAACAAGGAACACCGCAGCAGGTACGTAAGGTTGTTGATATAGTTAAGAAAAATCATATCCCGGCAGTCTTTAGCGAGAGTACGATTTCCGATAAACCAGCGCGTCAGGTTGCGCGTGAAACCGGCGCACACTACGCGGTGTGCTCTATGTCGATTCCTGAGCACAGAAAACGGCCCGGTACCGACGTATATCGACCTTCTTAA

CFT073 sitB

>ENA|AAN80067|AAN80067.1 Escherichia coli CFT073 SitB protein

ATGATGCAATCTGCAGGCATTGTCGTTAATGATGTTACTGTCACCTGGCGTAACGGGCACACAGCACTGCGCGATGCATCCTTCACAGTACCAAGTGGATCTATTGCCGCTCTGGTTGGGGTAAACGGTTCCGGAAAATCGACGTTGTTTAAAGCGATTATGGGATTTGTGCGTCTGACCAGCGGAAAGATATCTGTTCTGGGTATTCCCACGCGACAGGCGTTACAGAAAAACCTGGTTGCCTACGTCCCTCAGTCAGAAGATGTTGACTGGTCATTTCCTGTACTGGTGGAAGATGTGGTGATGATGGGCCGCTATGGGCATATGGGTATGTTGCGTATCGCCAAAAAGAGGGATCGTCAAATTGTCACCGATGCGCTGGAACGTGTCGATATGGTGAATTTTCGCCATCGACAAATCGGCGAGCTTTCCGGTGGACAAAAGAAACGCGTCTTTCTGGCGAGAGCGATTGCACAGCAGGGTGATGTGATCCTGCTGGATGAACCTTTTACTGGCGTTGATGTGAAAACCGAAGCCAAAATCATCAGCCTGTTGAGGGAGTTACGCGCGGAAGGCAAAACGATGCTTGTCTCAACACACAATCTCGGATCCGTCACGACATTTTGCGATTATACGGTCATGGTCAAAGGCACCGTCCTGGCAAGCGGGCCGACAGACACCACTTTTACAGCCGAGAACCTAGAGCTGGCTTTTAGCGGCGTACTGCGCCATGTCACACTTAACGGCTCGGAAGAAAGCATTATTACTGACGATGAACGCCCTTTTGTGGCTCATCGACCGTCAGCGGTGCAGAGGGAAGAAAGATGACFT073 sitC

>ENA|AAN80066|AAN80066.1 Escherichia coli CFT073 SitC protein

ATGAACGTGCTACTGGAACCCTTCAGCTATGAATATATGCTCAATGCGATGTGGGTCTCGGCGATGGTCGGCGGTCTCTGCGCTTTCCTGTCATGCTATCTGATGCTAAAAGGCTGGTCGCTGATTGGCGATGCGTTGTCGCACTCTATTGTCCCGGGTGTTGCGGGGGCATATATGCTGGGGCTTCCGTTTTCTCTGGGAGCCTTCTTTTCCGGCGGACTGGCTGCGGGCAGCATGCTGTTTCTTAACCAACGCACCCGCTTAAAAGAAGATGCCATCATCGGTCTGATCTTCTCGTCCTTTTTTGGCCTGGGGCTGTTTATGGTGTCATTGAACCCGACATCTGTGAACATTCAGACCATCGTCCTGGGCAATATTCTGGCAATCGATCCGGCGGATATCCTGCAACTCACTATCATTGGCATTCTCTCGATCATCGTGCTTTTTTTCAAATGGAAAGATCTTATGGTGACCTTTTTCGACGAGAATCACGCCCGTGCTATTGGATTGCATCCGGGCAGATTAAAACTCATCTTCTTCACCCTGCTGTCGGTTTCGACCGTTGCGGCGCTGCAAACGGTTGGTGCCTTTCTGGTGATCTGTCTGGTGGTGACTCCCGGTGCAACAGCATGGTTGTTAACCGATCGTTTTCCCCGCCTGCTCATGATTGCTGTAACTATTGGCAGTGTAACTAGTTTCCTCGGCGCGTGGGTCAGTTACTTTCTGGACGGCGCGACAGGTGGAATCATCGTGGTGGCGCAGACACTGCTGTTTCTTTTAGCATTTGTCTTTGCGCCCACCCATGGGCTTTTGGCAAATCGTCGGCGTGCGCATAAGGCGCTGGAGGATCGCTCATGA

CFT073 ompA

>ENA|AAN79561|AAN79561.1 Escherichia coli CFT073 Outer membrane protein A precursor

TTGAGCAGATCCCCGGTGAAGGATTTAACCGTGTTATCTCGTTGGAGATATTCATGGCGTATTTTGGATGATAACGAGGCGCAAAAAATGAAAAAGACAGCTATCGCGATTGCAGTGGCACTGGCTGGTTTCGCTACCGTAGCGCAGGCCGCTCCGAAAGATAACACCTGGTACACTGGTGCTAAACTGGGCTGGTCCCAGTACCATGACACTGGTTTTATTCCTAACAATGGTCCGACCCACGAAAACCAACTGGGTGCAGGTGCTTTTGGTGGTTACCAGGTTAACCCGTATGTTGGCTTTGAAATGGGTTACGACTGGTTAGGTCGTATGCCGTACAAAGGCGACAACATCAACGGCGCATACAAAGCTCAGGGCGTTCAGCTGACCGCTAAACTGGGTTACCCAATCACTGACGATCTGGACATCTACACTCGTCTGGGTGGTATGGTATGGCGTGCAGACACCAAGGCTAACGTACCTGGTGGCGCATCCTTTAAAGACCACGACACCGGCGTTTCTCCGGTCTTCGCTGGCGGTGTTGAGTATGCGATCACTCCTGAAATCGCTACCCGTCTGGAATACCAGTGGACCAACAACATCGGTGACGCACACACCATCGGCACTCGTCCGGACAACGGCATGCTGAGCCTGGGTGTTTCCTACCGTTTCGGTCAGGGCGAAGTAGCTCCAGTAGTTGCTCCGGCTCCAGCTCCGGCACCGGAAGTACAGACCAAGCACTTCACTCTGAAGTCTGACGTTCTGTTCACCTTCAACAAAGCAACCCTGAAACCGGAAGGTCAGGCTGCTCTGGATCAGCTGTACAGCCAGCTGAGCAACCTGGATCCGAAAGACGGTTCCGTAGTTGTTCTGGGTTACACTGACCGCATCGGTTCTGACGCTTATAACCAGGCTCTGTCCGAGCGTCGTGCTCAGTCCGTTGTTGATTACCTGATCTCTAAAGGTATCCCGGCAGACAAAATCTCCGCACGTGGTATGGGCGAATCCAACCCGGTTACTGGCAACACCTGTGACAACGTGAAACAGCGTGCTGCACTGATCGATTGCCTGGCTCCGGATCGTCGCGTAGAGATCGAAGTTAAAGGCATCAAAGACGTTGTAACTCAGCCGCAGGCTTAA

CFT073 pic

>ENA|AAN78833|AAN78833.1 Escherichia coli CFT073 Pic serine protease precursor

GTGAATAAAGTTTATTCTCTTAAATATTGCCCTGTCACCGGGGGACTTATTGTTGTCTCTGAACTTGCCAGCAGGGTAATAAAAAAGACATGCCGAAGATTAACGCATATTCTTCTGGCTGGCATTCCAGCAGTCTATCTGTATTACCCTCAGATATCCCAGGCGGGCATTGTCCGTTCCGATATTGCCTATCAGATTTATCGTGATTTCGCTGAAAACAAAGGGCTTTTTGTACCTGGTGCCACAGATATTCCGGTATATGATAAGGACGGAAAACTTGTGGGGAGACTGGATAAAGCCCCAATGGCCGATTTCAGCAGTGTGAGCTCAAATGGCGTTGCTACGCTTGTATCACCTCAGTATATCGTCAGCGTAAAGCATAACGGAGGATATCAGAGTGTGAGCTTTGGTAATGGGAAAAATACATATTCCCTTGTTGACCGTAATAACCACTCTTCTGTTGACTTCCATGCTCCACGTCTGAATAAACTGGTTACAGAAGTTATTCCCTCAGCGATAACATCAGAAGGAACCAAAGCCAATGCTTATAAAGACACTGAACGTTACACCGCTTTTTATCGGGTGGGTAGTGGTACGCAGTACACTAAGGACAAGGACGGAAATTTAGTTAAGGTTGCCGGCGGATATGCTTTTAAAACAGGAGGAACCACAGGAGTTCCTCTGATATCTGATGCAACAATAGTCTCTAATCCCGGGCAAACCTATAATCCTGTAAACGGACCTTTACCTGACTATGGTGCCCCTGGGGACAGTGGTTCTCCTTTGTTTGCTTATGATGAACAACAAAAAAAATGGGTTATTGTTGCTGTATTAAGAGCATATGCAGGTATTAATGGTGCTACGAACTGGTGGAATGTCATACCAACAGATTATCTGAACCAGGTTATGCAGGACGATTTCGATGCCCCCGTGGACTTTGTTTCCGGACTGCCCCCCCTGAACTGGACATACGACAAAACATCAGGCACAGGCACCCTGAGCCAGGGCAGTAAAAACTGGACCATGCACGGGCAGAAAGACAATGATCTCAATGCCGGTAAAAATCTGGTATTCAGCGGGCAGAACGGTGCAATTGTCCTGAAAGACAGTGTGACTCAGGGGGCCGGTTATCTCGAATTTAAAGACAGTTACACCGTATCTGCTGAATCCGGAAAAACCTGGACGGGTGCCGGCATTATTACTGACAAGGGGACGAATGTGACCTGGAAGGTCAACGGGGTTGCCGGTGACAACCTGCATAAATTGGGGGAAGGAACCCTGACCATAAACGGAACAGGTGTAAACCCGGGAGGACTGAAAACGGGAGACGGTACCGTTGTACTTAACCAGCAGGCAGACACTGCAGGTAATGTTCAGGCCTTCAGTTCCGTGAACCTCGCCAGCGGACGACCGACCGTGGTGCTCGGAGATGCCCGTCAGGTCAATCCGGATAACATTTCATGGGGATACCGGGGAGGTAAGCTTGACCTTAATGGTAATGCCGTTACCTTCACCCGACTGCAGGCTGCCGATTACGGGGCGGTGATTACAAATAATGCACAGCAAAAATCCCGGCTTTTACTGGATCTTAAGGCTCAGGATACAAATGTCAGTGTTCCGATTGGCAGTATATCCCCCTTTGGCGGTACCGGCACACCGGGAAACCTATACAGCATGATACTCAACGGCCAGACCCGCTTCTATATTCTGAAATCTGCCAGCTATGGTAACACCCTGTGGGGGAACAGCCTGAATGACCCGGCTCAGTGGGAATTTGTTGGCACGGACAAAAACAAAGCAGTTCAGACAGTAAAAGACCGGATCCTGGCCGGGCGGGCAAAACAACCCGTTATCTTTCATGGTCAGCTGACCGGGAATATGGATGTCACCATTCCACAGCTGCCGGGGGGAAGAAAGGTCATCCTTGATGGTAGCGTGAACCTGCCGGAAGGTACCCTGAGTGAGGACAGTGGCACCCTGATATTCCAGGGGCATCCGGTTATCCACGCCTCCGTCAGTGGCAGTGCGCCGGTCAGCCTGAACCAGAAAGACTGGGAAAACCGCCAGTTCATAATGAAAACACTGTCGCTGAAAGATGCTGACTTCCATCTTTCACGTAACGCCTCGCTGAACAGTGACATTAAGTCGGATAACAGCCATATCACACTGGGAAGTGACAGGGTATTTGTGGATAAAAATGACGGAACAGGAAATTATGTCATTCTGGAGGAAGGTACCTCTGTCCCGGACACCGTGAATGACAGGAGCCAGTATGAAGGGAATATTACGCTGGACCATAACTCAACCCTGGATATCGGCAGCCGGTTCACCGGAGGGATTGAAGCTTATGACAGTGCCGTCAGTATCACCTCTCCGGACGTCCTGTTAACAGCCCCGGGTGCTTTTGCCGGCAGTTCACTGACAGTGCATGATGGCGGTCATCTTACAGCACTGAACGGTCTTTTCAGCGACGGGCATATTCAGGCCGGTAAGAACAGCAAAATCACCCTGAGCGGTACACCGGTTAAAGATACGGCTAACCAGTATGCCCCTGCTGTATATCTGACGGACGGATATGACCTGACCGGCGATAACGCAACACTGGAAATTACCCGTGGAGCACATGCTTCCGGTGATATTCATGCCTCTGCGGCATCAACAGTTACCATCGGGTCTGACACGCCGGCAGAACTGGCTTCTGCGGAAACGACTGCATCGGCGTTTGCCGGCAGTCTTCTTGAGGGCTATAACGCAGCATTCAATGGTGCCATAACCGGTGGCAGGGCTGATGTCAGTATGCATAATGCACTGTGGACTCTGGGTGGGGACTCCGCCATCCACACTCTTACCGTCAGAAACAGCCGTATCAGTTCTGAAGGAGACCGTACTTTCCGTACCCTGACGGTGAATAAACTGGATGCAACAGGCAGTGATTTTGTTCTGCGTACGGACCTGAAAAATGCCGATAAAATTAATGTGACTGAAAAAGCCACGGGTTCAGATAACAGCCTGAACGTCAGCTTTATGAAGGATCCGGCTCAGGGACAGTCCCTGAATATTCCTCTGGTCACGGCACCGGCGGGAACTTCAGCAGAGATGTTTAAGGCCGGCACCCGGATGATAGGTTTCAGTCGGGTGACTCCAACCCTGCATGTTGACACCAGTGGTGGCAATACGAAGTGGATACTGGACGGTTTTAAAGCGGAGGCTGATAAAGCCGCTGCCGCGAAGGCTGACAGTTTCATGAATGCCGGGTATAAAAACTTCATGACGGAAGTCAACAATCTGAACAAACGTATGGGTGACCTGCGTGACACAAACGGTGATGCCGGAGCCTGGGCGCGCATCATGAGTGGTGCCGGTTCTGCAGACGGTGGTTACAGTGATAATTACACCCATGTTCAGGTCGGCTTTGACAAAAAACATGAACTGGACGGAGTGGACCTGTTTACCGGTGTCACGATGACCTATACCGACAGCAGTGCAGACAGCCATGCGTTCAGCGGCAAGACGAAATCGGTGGGGGGCGGTCTGTATGCTTCAGCATTGTTTGAGTCCGGTGCCTATATCGATTTGATTGGTAAATATATTCACCATGACAATGATTACACAGGTAACTTTGCCGGTCTGGGAACGAAACACTACAACACCCATTCCTGGTATGCCGGTGCTGAAACGGGTTACCGCTATCACCTGACAGAGGAAACGTTCATTGAGCCGCAGGCTGAACTGGTTTACGGCGCCGTGTCCGGGAAAACATTCCGCTGGAAAGACGGTGATATGGACCTGAGCATGAAGAACAGGGACTTCAGTCCGCTGATTGGAAGAACAGGGATTGAACTGGGCAAGACCTTCAGTGGTAAGGACTGGAGTGTGACGGCCCGTGCCGGGACCAGCTGGCAGTTTGACCTACTGAATAATGGTGAGACGGTACTGCGTGATGCGTCCGGGGAGAAACGGATAAAAGGCGAGAAAGACAGCCGGATGCTGTTTAATGTTGGTATGAATGCGCAGATAAAGGACAATATGCGCTTTGGTCTGGAGTTTGAGAAGTCAGCCTTTGGTAAATATAACGTGGATAATGCGGTAAACGCAAATTTCCGGTATATGTTCTGA

CFT073 sat

>ENA|AAN82067|AAN82067.1 Escherichia coli CFT073 secreted auto transporter toxin

TTGAGAGAATATATGAATAAAATATACTCCCTTAAATATAGTGCTGCCACTGGCGGACTCATTGCTGTTTCTGAATTAGCGAAAAGAGTTTCTGGTAAAACAAACCGAAAACTTGTAGCAACAATGTTGTCTCTGGCTGTTGCCGGTACAGTAAATGCAGCAAATATTGATATATCAAATGTATGGGCGAGAGACTATCTTGATCTTGCACAAAATAAAGGTATTTTCCAGCCCGGAGCAACAGACGTAACAATCACTTTAAAAAACGGAGATAAATTCTCTTTCCATAATCTCTCAATTCCGGATTTTTCTGGTGCAGCAGCGAGTGGCGCAGCTACCGCAATAGGAGGTTCTTATAGTGTTACTGTTGCACATAACAAAAAGAACCCTCAGGCCGCAGAAACCCAGGTTTACGCTCAGTCTTCTTACAGGGTTGTTGACAGAAGAAATTCCAATGATTTTGAGATTCAGAGGTTAAATAAATTTGTTGTGGAAACAGTAGGTGCCACCCCGGCAGAGACCAACCCTACAACATATTCTGATGCATTAGAACGCTACGGTATAGTCACTTCTGACGGTTCAAAAAAAATCATAGGTTTTCGTGCTGGCTCTGGAGGAACATCATTTATTAATGGTGAATCCAAAATCTCAACAAATTCAGCATATAGCCATGATCTGTTAAGTGCTAGTCTATTTGAGGTCACCCAATGGGACTCATACGGCATGATGATTTATAAAAATGATAAAACATTTCGTAATCTTGAAATATTCGGAGACAGCGGCTCTGGAGCATACTTATATGATAACAAACTAGAAAAATGGGTATTAGTCGGAACAACCCATGGTATTGCCAGCGTTAATGGTGACCAACTGACATGGATAACAAAATACAATGATAAACTGGTTAGTGAGTTAAAAGATACCTATAGTCATAAAATAAATCTGAATGGCAATAATGTAACCATTAAAAACACAGATATAACATTACACCAAAACAATGCAGATACCACTGGTACTCAAGAAAAAATAACTAAAGACAAAGATATTGTGTTCACAAATGGGGGAGATGTCCTGTTTAAGGATAATTTGGATTTTGGTAGCGGTGGTATTATCTTTGACGAAGGCCATGAATATAACATAAACGGTCAGGGATTTACATTTAAAGGAGCAGGAATTGATATCGGAAAAGAAAGCATTGTAAACTGGAATGCATTGTATTCCAGTGATGATGTTTTACACAAAATAGGCCCCGGTACTCTGAATGTTCAAAAAAAACAGGGGGCAAATATAAAGATAGGTGAAGGAAATGTTATTCTTAATGAAGAAGGAACATTTAACAATATATACCTTGCAAGCGGAAATGGTAAGGTAATACTAAATAAAGATAATTCCCTTGGCAATGATCAATATGCGGGGATATTTTTTACTAAACGTGGTGGTACGCTAGATTTAAATGGACACAATCAGACTTTTACTAGAATTGCCGCCACTGACGATGGAACAACAATAACTAACTCAGATACAACGAAAGAAGCCGTTCTGGCAATCAATAACGAAGACTCCTACATATATCATGGGAACATAAATGGCAATATAAAACTAACGCACAATATTAATTCTCAGGATAAGAAAACTAATGCAAAATTAATTCTGGATGGTAGTGTCAACACAAAAAATGATGTTGAAGTCAGTAATGCCAGTCTTACCATGCAAGGCCATGCAACAGAGCATGCAATATTCAGAAGCTCAGCGAATCATTGCTCCCTGGTATTTCTTTGTGGAACGGACTGGGTCACCGTTTTGAAAGAAACAGAGAGTTCATATAATAAAAAATTCAATTCTGATTACAAAAGTAATAATCAGCAGACCTCATTTGATCAGCCTGACTGGAAAACCGGGGTGTTTAAATTTGATACATTACACCTGAACAATGCTGACTTTTCAATATCACGCAATGCCAATGTTGAAGGAAATATATCAGCAAATAAATCAGCTATCACAATCGGCGATAAAAATGTTTACATTGATAATCTTGCAGGGAAAAATATTACTAATAATGGTTTTGACTTCAAACAAACTATCAGTACTAATCTATCCATAGGAGAAACTAAATTTACAGGTGGCATCACTGCACATAACAGCCAAATAGCCATAGGTGATCAAGCTGTAGTTACACTTAATGGTGCAACCTTTCTGGATAATACTCCTATAAGTATAGATAAAGGAGCAAAAGTTATAGCACAAAATTCCATGTTCACAACAAAAGGTATTGATATCTCCGGTGAACTGACTATGATGGGAATCCCTGAACAGAATAGTAAAACTGTAACGCCGGGTCTCCACTACGCTGCTGATGGATTCAGGCTGAGTGGTGGAAATGCAAATTTCATTGCCAGAAATATGGCATCTGTCACCGGAAATATTTATGCTGATGATGCAGCAACCATTACTCTGGGACAGCCTGAAACTGAAACACCGACTATATCGTCTGCTTATCAGGCATGGGCAGAGACTCTTTTGTATGGCTTTGATACCGCTTATCGAGGCGCAATAACAGCCCCCAAAGCTACAGTTAGCATGAATAATGCGATCTGGCATCTAAATAGCCAGTCATCAATTAATCGTCTAGAAACAAAAGACAGTATGGTGCGTTTTACTGGTGATAATGGGAAGTTTACAACCCTTACAGTGAACAACCTTACTATAGATGACAGTGCATTTGTGCTGCGTGCAAATCTGGCCCAAGCAGATCAGCTTGTTGTCAATAAATCGTTGTCTGGTAAAAACAACCTTCTGTTAGTCGACTTCATTGAGAAAAATGGAAACAGCAACGGACTGAATATCGATCTGGTCAGCGCACCAAAAGGAACTGCAGTAGATGTCTTTAAAGCTACGACTCGGAGTATTGGCTTCAGTGATGTAACACCGGTTATCGAGCAAAAGAACGATACAGACAAAGCAACATGGACTCTGATCGGCTATAAATCTGTGGCCAACGCCGATGCGGCTAAAAAGGCAACATTACTGATGTCAGGCGGCTATAAAGCCTTCCTTGCTGAGGTCAACAACCTTAACAAACGTATGGGTGATCTGCGTGACATTAACGGTGAGTCCGGTGCATGGGCCCGAATCATTAGCGGAACCGGGTCTGCCGGCGGTGGATTCAGTGACAACTACACCCACGTTCAGGTCGGTGCGGATAACAAACATGAACTCGATGGCCTTGACCTCTTCACCGGGGTGACCATGACCTATACCGACAGCCATGCAGGCAGTGATGCCTTCAGTGGTGAAACGAAGTCTGTGGGTGCCGGTCTCTATGCCTCTGCCATGTTTGAGTCCGGAGCATATATCGACCTCATCGGTAAGTACGTTCACCATGACAACGAGTATACCGCAACTTTCGCCGGCCTTGGCACCAGAGACTACAGCTCCCACTCCTGGTATGCCGGTGCGGAAGTCGGTTACCGTTACCATGTAACTGACTCTGCATGGATTGAGCCGCAGGCGGAACTTGTTTACGGTGCTGTATCCGGGAAACAGTTCTCCTGGAAGGACCAGGGAATGAACCTCACCATGAAGGATAAGGACTTTAATCCGCTGATTGGGCGTACCGGTGTTGATGTGGGTAAATCCTTCTCCGGTAAGGACTGGAAAGTCACAGCCCGCGCCGGCCTTGGCTACCAGTTTGACCTGTTTGCCAACGGTGAAACCGTACTGCGTGATGCGTCCGGTGAGAAACGTATCAAAGGTGAAAAAGACGGTCGTATGCTCATGAATGTTGGTCTCAACGCCGAAATTCGCGATAATCTTCGCTTCGGTCTTGAGTTTGAGAAATCGGCATTTGGTAAATACAACGTGGATAACGCGATCAACGCCAACTTCCGTTACTCTTTCTGA

CFT073 vat

>ENA|AAN78874|AAN78874.1 Escherichia coli CFT073 Haemoglobin protease

ATGAATAAAATATACGCTCTAAAATATTGTTATATTACTAACACAGTAAAGGTTGTCTCTGAACTAGCCCGAAGGGTATGTAAAGGGAGTACCCGCAGAGGAAAAAGACTTTCAGTACTTACCTCTCTGGCACTATCTGCATTACTCCCAACCGTTGCTGGTGCATCAACGGTTGGTGGCAACAATCCTTACCAGACATACCGCGACTTTGCAGAAAACAAAGGGCAGTTTCAGGCTGGCGCAACAAACATTCCTATTTTTAATAATAAAGGGGAATTAGTAGGACATCTTGATAAAGCGCCCATGGTTGATTTTAGCAGTGTGAATGTAAGCTCAAATCCCGGCGTTGCAACATTAATTAACCCGCAATATATAGCCAGTGTAAAACATAATAAAGGATATCAGAGCGTCAGCTTCGGTGATGGTCAGAACAGTTACCATATTGTGGATCGTAATGAACACAGTTCATCTGATCTCCACACACCAAGACTTGATAAGCTCGTAACTGAGGTTGCTCCGGCTACCGTAACCAGCTCATCAACAGCTGATATATTGAACCCTTCAAAATACTCGGCATTCTACAGGGCTGGTTCGGGAAGTCAGTATATTCAGGATAGTCAGGGTAAGCGACATTGGGTAACAGGTGGGTATGGTTATCTGACAGGAGGAATACTCCCGACATCATTCTTTTATCACGGCTCAGACGGCATTCAGCTGTATATGGGGGGCAACATACATGATCATAGCATCCTGCCCTCTTTTGGAGAGGCCGGCGACAGTGGTTCTCCATTATTTGGCTGGAATACGGCCAAAGGGCAGTGGGAACTGGTCGGTGTTTACTCGGGAGTAGGAGGGGGGACCAATTTGATATATTCTCTTATTCCTCAGAGTTTTCTCTCACAGATCTATTCAGAGGATAATGACGCTCCCGTCTTTTTTAATGCCTCATCCGGCGCCCCCCTGCAATGGAAATTTGACAGCAGCACCGGCACTGGCTCTCTGAAACAGGGTTCCGATGAATATGCCATGCACGGGCAAAAAGGTTCTGACCTGAACGCAGGTAAAAATCTGACATTCCTGGGACATAATGGTCAGATTGACCTGGAAAACTCTGTCACGCAGGGTGCCGGTTCACTGACATTTACTGATGACTACACTGTCACCACTTCAAACGGAAGTACCTGGACCGGGGCCGGTATTATTGTGGACAAGGATGCCTCCGTAAACTGGCAGGTTAATGGTGTGAAAGGTGACAACCTGCATAAAATCGGCGAAGGAACCCTGGTTGTACAGGGAACCGGTGTTAATGAGGGCGGCCTGAAAGTCGGGGATGGGACCGTTGTCCTCAATCAGCAGGCTGACAGTTCAGGACACGTTCAGGCATTCAGTAGCGTGAATATTGCCAGCGGCCGCCCGACAGTCGTGCTGGCAGACAACCAGCAGGTTAATCCGGACAATATATCCTGGGGCTACCGGGGGGGGGTTCTGGATGTTAACGGGAATGACCTGACATTTCATAAGCTGAATGCCGCCGATTATGGCGCAACTCTCGGTAACAGCAGTGATAAAACGGCTAATATCACTCTGGATTATCAGACGCGTCCGGCAGACGTAAAAGTTAATGAATGGTCATCATCAAACAGGGGAACAGTAGGTTCATTATATATTTATAATAATCCCTATACTCATACCGTCGATTATTTTATCCTGAAAACAAGTAGTTATGGCTGGTTCCCTACCGGTCAGGTCAGTAACGAGCACTGGGAATATGTCGGACATGACCAGAACAGTGCACAGGCACTGCTTGCAAACAGAATTAATAATAAAGGGTATCTGTATCATGGCAAGTTGCTGGGAAATATTAATTTCTCAAATAAAGCAACCCCGGGTACAACCGGCGCATTGGTTATGGACGGCTCAGCGAATATGTCCGGTACATTTACTCAGGAAAACGGTCGTCTGACCATTCAGGGCCACCCGGTTATCCATGCTTCAACGTCTCAGAGTATTGCAAATACAGTCTCGTCTCTGGGCGACAATTCCGTTCTGACACAGCCCACCTCATTTACACAGGATGACTGGGAGAACAGGACGTTCAGCTTTGGTTCGCTCGTGTTAAAAGATACAGACTTTGGTCTGGGCCGCAATGCCACACTGAACACAACCATCCAGGCAGATAACTCCAGCGTCACGCTGGGCGACAGTCGGGTATTTATCGACAAAAAAGATGGCCAGGGAACAGCATTTACCCTTGAAGAAGGCACATCTGTTGCAACTAAAGATGCAGATAAAAGCGTCTTCAACGGCACCGTCAACCTGGATAATCAGTCAGTGCTGAATATCAATGAGATATTCAATGGCGGAATACAGGCGAACAACAGTACCGTGAATATCTCCTCAGACAGTGCCGTTCTGGAGAACTCAACGCTGACCAGTACCGCCCTGAATCTGAACAAGGGAGCAAATGTTCTGGCCAGTCAGAGTTTTGTTTCTGACGGTCCGGTGAATATTTCTGATGCCACCCTGAGTCTGAACAGCCGTCCTGATGAGGTATCTCACACACTTTTACCTGTATACGATTATGCCGGTTCATGGAACCTGAAGGGAGACGATGCCCGCCTGAACGTGGGGCCGTACAGTATGTTGTCAGGTAATATCAATGTTCAGGATAAAGGGACTGTCACCCTCGGAGGGGAAGGGGAACTGAGTCCTGACCTGACTCTTCAGAATCAGATGTTGTACAGCCTGTTTAACGGGTACCGCAATACCTGGAGCGGGAGCCTGAATGCACCGGATGCCACCGTCAGCATGACAGACACCCAGTGGTCGATGAACGGAAACTCCACGGCAGGAAATATGAAACTTAACCGGACAATAGTCGGTTTTAACGGGGGAACATCATCGTTCACGACACTGACAACAGATAATCTGGACGCGGTTCAGTCAGCATTTGTCATGCGTACAGACCTTAACAAGGCAGACAAACTGGTGATAAACAAGTCGGCAACAGGTCATGACAACAGCATCTGGGTTAACTTCCTGAAAAAACCCTCTGACAAGGACACGCTTGATATTCCACTGGTCAGCGCACCTGAAGCGACAGCTGATAATCTGTTCAGGGCATCAACACGGGTTGTGGGATTCAGTGATGTCACCCCCACCCTTAGTGTCAGAAAAGAGGACGGGAAAAAAGAGTGGGTCCTCGATGGTTACCAGGTTGCACGTAACGACGGCCAGGGTAAGGCTGCCGCCACATTCATGCACATCAGCTATAACAACTTCATCACTGAAGTTAACAACCTGAACAAACGCATGGGCGATTTGAGGGATATTAACGGCGAAGCCGGTACGTGGGTGCGTCTGCTGAACGGTTCCGGCTCTGCTGATGGCGGTTTCACTGACCACTATACCCTGCTGCAGATGGGGGCTGACCGTAAGCACGAACTGGGAAGTATGGACCTGTTTACCGGCGTGATGGCCACCTACACTGACACAGATGCGTCAGCAGGCCTGTACAGCGGTAAAACAAAATCATGGGGTGGTGGTTTCTATGCCAGTGGTCTGTTCCGGTCCGGCGCTTACTTTGATTTGATTGCCAAATATATTCACAATGAAAACAAATATGACCTGAACTTTGCCGGAGCTGGTAAACAGAACTTCCGCAGCCATTCACTGTATGCAGGTGCAGAAGTCGGATACCGTTATCATCTGACAGATACGACGTTTGTTGAACCTCAGGCGGAACTGGTCTGGGGAAGACTGCAGGGCCAAACATTTAACTGGAACGACAGTGGAATGGATGTCTCAATGCGTCGTAACAGCGTTAATCCTCTGGTAGGCAGAACCGGCGTTGTTTCCGGTAAAACCTTCAGTGGTAAGGACTGGAGTCTGACAGCCCGTGCCGGCCTGCATTATGAGTTCGATCTGACGGACAGTGCTGACGTTCACCTGAAGGATGCAGCGGGAGAACATCAGATTAATGGCAGAAAAGACGGTCGTATGCTTTACGGTGTGGGGTTAAATGCCCGGTTTGGCGACAATACGCGTCTGGGGCTGGAAGTTGAACGCTCTGCATTCGGTAAATACAACACAGATGATGCGATAAACGCTAATATTCGTTATTCATTCTGA

UTI89 sslE

>ENA|ABE08836|ABE08836.1 Escherichia coli UTI89 putative lipoprotein AcfD-like precursor

ATGAATAAGAAATTTAAATATAAGAAATCGCTTTTAGCGGCTATTTTAAGCGCAACCCTGTTAGCCGGTTGTGATGGTGGTGGTTCAGGATCGTCCTCCGATACGCCGTCTGTAGATTCTGGATCAGGGACTTTGCCGGAAGTGAAACCCGATCCAACACCAACCCCGGAGCCGACACCTGAGCCGACGCCGGACCCAGAACCTACGCCGGATCCAACACCTGATCCTGAGCCGACACCAGAACCGGAGCCAGAACCTGTTCCTACGAAAACGGGTTATCTGACCCTGGGCGGAAGCCAGCGGGTAACTGGTGCTACCTGTAATGGTGAATCCAGCGATGGCTTTACCTTTACGCCAGGCAATACCGTGAGTTGTGTGGTGGGCAGTACGACCATTGCAACATTCAACACCCAGTCAGAAGCTGCGCGTAGCCTGCGTGCGGTTGACAAAGTGTCGTTTAGCCTGGAGGACGCGCAGGAGCTGGCGAATTCTGAAAATAAGAAAACCAACGCCATCTCTCTGGTGACGTCCAGCGACAGTTGCCCCGCAGATGCAGAACAGCTTTGTCTTACTTTCTCGTCAGTGGTTGATCGCGCGCGATTTGAAAAACTGTATAAGCAAATTGATCTGGCAACAGACAATTTCAGCAAGCTGGTCAATGAAGAGGTGGAAAACAATGCTGCGACTGATAAAGCGCCGTCCACCCATACCTCAACGGTAGTGCCAGTCACGACAGAGGGAACAAAACCGGATCTGAACGCGTCCTTCGTGTCGGCTAACGCGGAACAGTTTTATCAGTATCAACCCACTGAAATCATTCTTTCCGAAGGCCAACTGGTGGATAGCCTGGGGAACGGTGTTGCTGGCGTTGACTACTACACCAATTCAGGCCGTGGCGTAACTGACGAAAACGGTAAATTTTCCTTTAGCTGGGGCGAAACCATCTCCTTTGGTATCGATACCTTTGAACTGGGCTCAGTACGTGGCAATAAGTCGACCATTGCGCTGACTGAATTGGGTGATGAAGTTCGCGGGGCAAATATCGATCAGCTCATTCATCGTTATTCGACGACTGGTCAAAATAATACTCGTGTTGTTCCGGACGATGTACGCAAGGTCTTTGCCGAATATCCCAACGTGATCAACGAGATAATCAATCTTTCGTTATCCAACGGTGCGACGCTGGATGAAGGCGATCAAAACGTTGTGCTGCCTAACGAATTTATCGAGCAGTTTAAGACGGGTCAGGCCAAAGAGATCGATACCGCGATTTGTGCGAAAACCGACGGTTGTAACGAGGCTCGCTGGTTCTCGCTGACAACGCGCAATGTTAATGACGGCCAGATTCAGGGCGTTATTAACAAGCTGTGGGGCGTGGATACGAACTATCAGTCTGTCAGCAAGTTCCACGTCTTCCATGACTCTACCAACTTCTATGGCAGCACCGGTAACGCGCGCGGTCAGGCGGTGGTAAATATCTCCAACTCGGCATTCCCGATTCTGATGGCGCGTAATGATAAAAACTACTGGCTGGCGTTTGGCGAAAAACGCGCCTGGGATAAAAATGAGCTGGCGTACATTACGGAAGCGCCTTCCATTGTGCAGCCAGAGAACGTTACGCGCGATACTGCGACTTTCAACCTGCCGTTTATTTCGCTGGGGCAAGTCGGTGAAGGCAAACTGATGGTTATCGGTAACCCGCACTACAACAGCATCCTGCGTTGCCCGAACGGTTACAGTTGGGGCGGTGGTGTTAATAGTAAAGGTGAGTGTACGCTCAGCGGTGATTCTGATGACATGAAGCACTTTATGCAGAACGTACTGCGCTACTTGTCAAATGACATCTGGCAGCCAAATACCAAGAGCATCATGACTGTCGGCACCAACCTGGAGAACGTTTATTTCAAAAAAGCGGGCCAGGTATTGGGAAATAGTGCACCATTTGCTTTCCATGAGGATTTCACTGGTATCACGGTTAAACAGTTGACCAGCTATGGCGATCTGAATCCGGAAGAGATTCCGTTGCTGATCCTCAACGGCTTTGAATATGTGACTCAGTGGTCTGGCGATCCCTATGCTGTGCCTCTGCGTGCAGATACCAGCAAACCGAAGCTGACTCAGCAGGATGTGACCGATCTGATCGCTTATCTGAACAAAGGTGGCTCGGTGCTGATCATGGAAAACGTGATGAGCAATCTTAAGGAAGAGAGCGCGTCCAGTTTTGTGCGTCTGCTGGATGCCGCGGGTCTGTCAATGGCTCTGAACAAATCGGTGGTGAACAACGATCCGCAAGGGTATCCGGATCGCGTTCGTCAGCGTCGCGCGACTGGCATTTGGGTTTATGAACGTTATCCTGCTGCAGACGGCGCGCAACCGCCGTACACCATCGACCCAAATACAGGGGAAGTGACCTGGAAATACCAGCAAGACAACAAGCCTGATGACAAGCCGAAACTGGAAGTTGCGAGCTGGCAGGAGGAAGTTGAGGGCAAACAGGTAACGCGTTATGCCTTTATTGATGAAGCGGAATACACAACAGAAGAATCTCTGGAAGCGGCAAAGGCAAAAATCTTTGAGAAGTTTCCTGGGTTACAGGAGTGTAAGGACTCGACTTACCATTACGAGATTAACTGTTTGGAGCGCCGCCCAGGCACGGATGTTCCGGTAACAGGTGGCATGTATGTTCCGCGCTATACGCAACTGAATCTTGACGCCGACACCGCGAAAGCGATGGTGCAGGCGGCGGATTTAGGCACCAACATTCAGCGCCTGTATCAGCATGAGCTTTATTTCCGTACCAAAGGCAGTAAAGGTGAGCGTCTGAACAGTGTTGATCTGGAACGTCTGTACCAGAACATGTCGGTCTGGCTGTGGAACGATACGAAATATCGTTACGAAGAGGGCAAGGAAGATGAGCTGGGCTTTAAAACGTTCACCGAGTTCCTGAACTGCTACGCCAATGATGCCTATGCAGGCGGCACCAAGTGCTCCGCAGATCTGAAAAAATCGCTGGTCGATAACAACATGATCTACGGTGACGGTAGCAGCAAAGCGGGCATGATGAACCCAAGCTATCCGCTCAACTATATGGAAAAACCGCTGACGCGTCTGATGCTGGGCCGTTCCTGGTGGGATCTGAACATTAAGGTTGATGTGGAGAAGTACCCAGGATCCGTATCGGCAAAGGGTGAGAGCGTTACGGAAAACATCAGCCTGTACTCGAATCCGACCAAATGGTTTGCGGGTAACATGCAGTCAACCGGCCTGTGGGCACCGGCCCAGCAGGACGTCACCATTAAGTCTTCGGCGTCAGTCCCAGTGACTGTTACCGTGGCGCTGGCTGACGACCTGACTGGACGTGAGAAGCATGAAGTTGCGCTGAACCGTCCGCCAAGAGTGACTAAAACGTATACTCTGGAGGCTAACGGTGAAGTGACCTTCAAGGTGCCTTATGGTGGTCTGATTTATATCAAGGGCGACAGTAAGGATGATGTTTCTGCTAACTTCACCTTTACCGGTGTAGTAAAAGCGCCGTTCTATAAAGACGGCGAATGGAAAAACGATCTGGACTCACCGGCGCCGCTGGGCGAGCTGGAGTCTGCGTCGTTCGTCTATACCACGCCGAAGAAGAACCTTGAGGCCAGCAATTTCACTGGTGGTGTAGCAGAATTCGCTAAAGATCTGGATACCTTTGCCAGCTCGATGAATGACTTCTACGGTCGTAATGATGAAGACGGTAAGCACCGGATGTTTACCTATAAAAACTTGACGGGGCACAAGCATCGTTTCACCAACGATGTGCAGATCTCCATCGGTGATGCGCACTCGGGTTATCCGGTAATGAACAGCAGCTTCTCGACGAACAGCACCACGCTGCCGACGACGCCGCTGAACGACTGGCTGATTTGGCACGAAGTCGGTCATAACGCTGCAGAAACACCGCTGAACGTACCGGGTGCAACTGAAGTGGCGAACAACGTGCTGGCGCTGTACATGCAGGATCGCTATCTCGGTAAGATGAACCGTGTCGCTGACGACATTACCGTCGCGCCGGAATATCTGGACGAGAGCAACGGTCAGGCCTGGGCGCGCGGCGGTGCGGGTGACCGTCTGCTGATGTACGCACAGTTGAAGGAGTGGGCAGAGGAAAACTTTGATATCAAACAGTGGTATCCAGATGGTGAGCTGCCTAAGTTCTACAGCGATCGTAAAGGGATGAAGGGCTGGAACCTGTTCCAGTTGATGCACCGTAAAGCGCGCGGCGATGATGTTGGTAACAGCACCTTTGGTGGCAAGAATTACTGTGCTGAATCCAATGGTAACGCTGCCGACACGCTGATGCTGTGTGCATCCTGGGTCGCTCAGGCGGATCTTTCGGAATTCTTTAAGAAATGGAATCCGGGTGCAAGTGCTTACCAGTTGCCGGGAGCAACGGAGATGAGTTTCCAGGGCGGTGTGAGCTCTTCGGCTTACAGCACGCTGGCGTCACTCAAGCTGCCGAAACCGGAAAAAGGGCCGGAAACCATTAACAAGGTTACCGAGCATAAGATGTCTGCCGAGTAA